

**Федеральное государственное бюджетное учреждение науки
Институт физиологии растений им. К.А. Тимирязева РАН
Группа функциональной геномики**

Бакинский государственный университет

Научное достижение: *создан объединенный, эффективный, общедоступный, курируемый ресурс для сбора, хранения данных, обеспечения вычислительных ресурсов, инструментов, стандартов и методов для анализа массивных данных по биологической информации.*

Авторы: *Тюрин А.А. (ИФР РАН), Садовская Н.С. (ИФР РАН), Голденкова-Павлова И.В. (ИФР РАН), Мустафаев О. (БГУ, Баку, Азербайджан).*

Ресурс JetGene (<https://jetgene.bioiset.org>) – интегрированная база данных для анализа полногеномных данных живых организмов, включая: бактерии – 44048 видов; позвоночные – 101; грибы – 782; растения – 44, в том числе и хозяйственно-важные культуры.

JetGene организована в модульной форме, сопровождается оригинальными вычислительными программами, а также графической интерпретацией результатов. Поскольку биологическая информация имеет решающее значение для наук о жизни, в том числе и биотехнологических и биомедицинских исследований, созданный ресурс может обеспечить исследователя необходимыми данными и стать фундаментом, на котором в дальнейшем будет строиться наше понимание о принципах функционирования живых систем.